



Nuovo Piano di Accoppiamento ANAFIBJ

WAM: COME SI ACCEDE E COME FUNZIONA

L'accesso al programma WAM si potrà effettuare direttamente dal sito Anafibj con le modalità e con gli accessi che già vengono utilizzati per gli altri servizi on-line di Anafibj (Stampa facsimili schede genealogiche, Pga, etc); non è richiesta nessuna installazione di software ma basta utilizzare il proprio browser (è assicurata la compatibilità con i più diffusi). Sempre sul sito Anafibj gli allevatori troveranno un link che li guiderà nelle modalità per richiedere l'apertura del servizio e che Anafibj ha concordato con le singole Apa/Ara presenti sul territorio. Il servizio una volta attivato ha la durata di 1 anno solare e permetterà all'allevatore di elaborarsi tutti i piani che vuole secondo le proprie esigenze.

Una volta effettuato il login con la proprio username e la password appare questa 1° videata (Fig. 1); l'utente può decidere se richiamare un piano già fatto in precedenza oppure se farne uno nuovo cliccando sul pulsante "Nuovo". Vi è inoltre la possibilità di cancellare i piani già fatti e non più utili.

Scelta l'azienda, per nome o per codice AUA, il programma in automatico recupera i soggetti in carico all'azienda e soprattutto recupera il pedigree di tutti i soggetti sino a 20 generazioni. A questo punto a seconda di che piano si vuole elaborare si procede in 2 modi:

- **Piano con i tori già scelti a priori dall'allevatore**
 - Andare alla sezione "Mandria" e decidere che gruppo di animali accoppiare (Fig. 3), è possibile scegliere di accoppiare vacche e manze, solo le vacche e o solo le manze; è inoltre possibile selezionare i soggetti in base al valore genetico, in base allo stato riproduttivo (Vuote, Fecondate e Gravidе), in base al numero di lattazioni (1°= Primipare, 2°= secondipare, 3°= terzipare ed oltre) oppure selezionando manualmente gli animali. È possibile ordinare i soggetti per EVM, per i tre indici di selezione o per padre, e inoltre cliccando sulla matricola si accede direttamente al family tree e alla scheda genealogica del soggetto. Selezionati i soggetti da accoppiare cliccare su "Applica".

- Andare alla sezione “Tori” (Fig. 4) e inserire i tori che si vogliono utilizzare con “Aggiungi Toro”; è possibile digitare parte di nome o parte di matricola. Il programma in base agli animali da accoppiare decide un numero di tori da utilizzare, numero che l’utente può variare in base alle sue esigenze. Specificare il numero di dosi per ogni toro; in ogni caso il programma si preoccuperà di coprire tutti gli accoppiamenti necessari. Inseriti i tori disponibili cliccare su “Salva”.
- A questo punto cliccare sul pulsante “Elabora” e il programma ottimizza il parco tori a disposizione con gli animali da accoppiare.
- Ad elaborazione terminata appare la sezione “**Elenco reports per PAC elaborato**” (Fig. 5) dove sono elencati tutti i report che si possono visualizzare e/o stampare inerenti. Sono inoltre già visibili fin dall’ inizio del piano, alla sezione Azienda, altre 2 tipologie di report: “**Elenco reports PGA**”, che accede direttamente alle stampe del Profilo Genetico Allevamento, e “**Elenco reports aziendali**” dove è possibile visualizzare la situazione genetica dell’azienda. Se il piano soddisfa le nostre esigenze è possibile consolidarlo: da questo momento il piano potrà sempre essere visualizzato ma non modificato e i risultati degli accoppiamenti saranno automaticamente disponibili nelle stampe operative di Sialleva. È stata inoltre prevista la funzione di esportazione verso altri programmi gestionali. Prima di consolidarlo, dalla sezione “**Configurazione**”, è possibile dare un “nickname” al piano elaborato in modi da poterlo rintracciare più facilmente.

- **Piano con scelta dei tori**

Se invece si vuole che il programma sulla base della situazione della mandria e sulla base degli obiettivi dell’allevatore consigli i tori più adatti tra quelli disponibili conviene operare in questo modo

- Nella sezione “Configurazione” (Fig. 2) selezionare che tipo di tori si vuole utilizzare (Italiani, italiani e esteri, provati genomici o entrambi, etc), impostare i propri obiettivi (Pft, Ies, ICS-PR, Morfologia) e impostare i caratteri sui quali si vuole dare più enfasi (latte, kg proteine, fertilità, cellule, mammella, etc)
- Andare nella sezione “Mandria” e procedere come sopra
- Andare nella sezione “Tori” e come sopra confermare o variare il numero di tori da accoppiare. E’ possibile, **MA NON CONSIGLIABILE**, mettere dei filtri sulla scelta dei tori.
- **E’ inoltre possibile selezionare le organizzazioni di F.A.(centri)**; di default sono tutte inclusi, cliccando sul singolo centro, decido di non lavorare con i tori di quel o quei centri. Oppure, cliccando sulla prima casella in alto dell’elenco dei centri, li escludo tutti, togliendo il baffetto decido di lavorare con o quei centri.
- **E’ inoltre possibile inserire a priori dei tori**, nella apposita finestra alla voce **GESTISCI TORI** inserendo il nome corto del toro o parte di esso, selezionare il toro desiderato, inserire le dosi e confermare. Io potrei ad esempio avere in casa 10 dosi ciascuno di 3 tori e volere che il programma mi scelga gli altri tori (tori a bidone, fig. 4); in questo caso tenere conto che il numero di tori

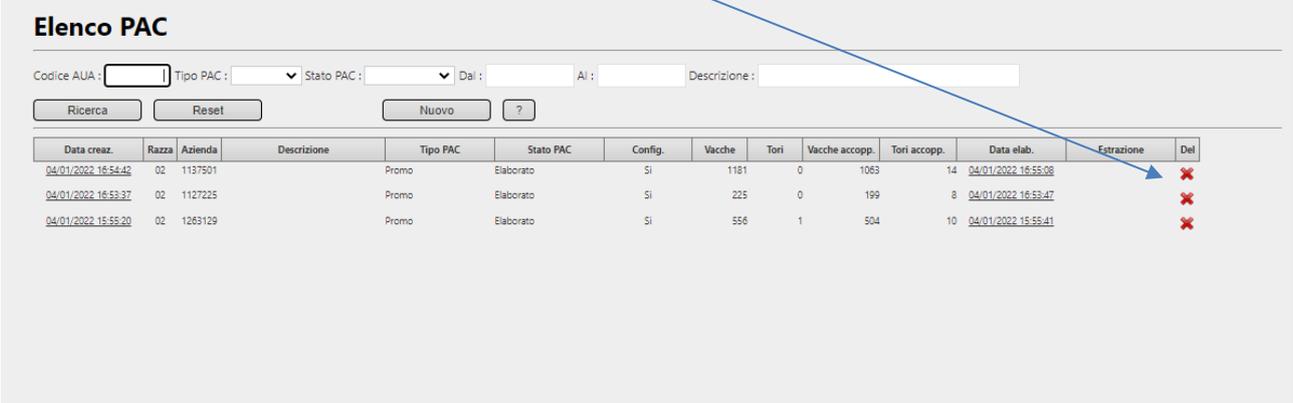
consigliati deve tenere conto dei tori che io inserisco a priori: ad esempio se inserisco 3 tori e voglio che il programma me ne consigli altri 4 deve mettere 7 nei tori consigliati. Qui sono stati inseriti i contatori (Fig. 4)

- A questo punto ripetere le stesse operazioni come sopra: finita una elaborazione se il risultato non soddisfa è possibile ripeterla modificando i parametri sino a raggiungere i propri obiettivi.

Sezione **AZIENDA - Simulazione di un indice personalizzato**: l'idea è di aiutare l'allevatore a trovare una combinazione ideale di indici per la sua azienda e in base ai suoi obiettivi di selezione. Visto come cambiano le correlazioni, sarà più facile andare a impostare premi e penalità nella sezione di configurazione. Cliccando su 'Simulazione indice' (Fig. 6) si apre una finestra che conterrà un menù a tendina di scelta dell'indice ufficiale attualmente in uso (PFT, IES o ICS-PR) e un elenco di caratteri affiancati dal campo peso, dove l'utente dovrà inserire il peso che ritiene opportuno, anche lasciare zero, in modo però da avere come somma 100. L'elaborato consiste in un report PDF dove vi saranno: tabella e grafico esplicativo delle correlazioni dell'indice ufficiale in uso con la lista di caratteri in esame; sotto una tabella con pesi e correlazioni dell'indice personalizzato con relativo grafico delle correlazioni.

Per aiutare l'allevatore è disponibile un help on-line (tasto a fianco del login)

Fig. 1 possibilità di cancellare i piani già fatti



Elenco PAC

Codice AUA : Tipo PAC : Stato PAC : Dal : Al : Descrizione :

Data creaz.	Razza	Azienda	Descrizione	Tipo PAC	Stato PAC	Config.	Vacche	Tori	Vacche accopp.	Tori accopp.	Data elab.	Estrazione	Del
04/01/2022 16:54:46	02	1137501		Promo	Elaborato	Si	1181	0	1063	14	04/01/2022 16:55:08		✖
04/01/2022 16:53:37	02	1127225		Promo	Elaborato	Si	225	0	199	8	04/01/2022 16:53:47		✖
04/01/2022 15:55:20	02	1269129		Promo	Elaborato	Si	556	1	504	10	04/01/2022 15:55:41		✖

Fig. 2 inserito indice ICS-PR e inserimento dell'impostazione premi e penalità della beta caseina, si può dare un nome al piano

The screenshot shows a software interface with the following sections:

- Parametri:** Includes fields for 'Razza' (Frisona Italiana), 'Descrizione', 'Tipo piano' (Promo, Solo tori Italiani, Provat), '2 Tori per vacca', and 'Num generazioni per analisi geni' (10).
- Obiettivi:** Includes a dropdown menu for 'Obiettivo' (PFT).
- Impostazione premi/penalita:** Includes dropdowns for 'CAM', 'Prezzo', 'Attendibilita', 'KCas AB/BB', 'BetaA1A2', 'RF/Red', 'Polled PO/PC/PS'. Below this are three columns of 'IGT' dropdowns under the headings 'Produzione', 'Funzionalita', and 'Morfologia'.

Fig. 3 è possibile ordinare la mandria per diversi indici, escludere alcuni soggetti (risultato nel contatore)

The screenshot shows a software interface with the following sections:

- Filter options:** 'Soggetti: Tutte', 'Sogg elite: G e rank >= 0', 'Manze to U', 'Matura', 'Eta min manze (mes): 8', 'Eta max manze x facilita' parto (mes): Normale', 'Stato riproduttivo: [V]juota, [F]econdata, [G]ravida', 'Ordine parto: 1, 2, 3+.
- Table:** A table with columns: Escl., Collare, Matericola, Ord.Par., Padre, Maturita, Mat tp U, Nascita, Ult.Fec., StRipr, Rk, Pft, les, IcsPr, EVM. The table contains 20 rows of data.
- Contatori di mandria:** A summary table at the bottom right showing counts for 'Giovani' and 'Maturi' across 'Iniziali', 'Inclusi', and 'Esclusi'.

Escl.	Collare	Matericola	Ord.Par.	Padre	Maturita	Mat tp U	Nascita	Ult.Fec.	StRipr	Rk	Pft	les	IcsPr	EVM
<input type="checkbox"/>	M0304	IT019990926754	3+	COLOMBIANO	M		20/11/2011	27/09/2021	F	36	2279	122	-344	14218
<input checked="" type="checkbox"/>	M0992	IT019991031676	3+	LUKE	M		07/09/2012	21/06/2021	G	54	2532	160	-338	13240
<input checked="" type="checkbox"/>	M0475	IT019991078179	3+	LEROY	M		05/12/2012	11/01/2021	G	4	1439	-242	-910	14407
<input checked="" type="checkbox"/>	M0102	IT019991160425	3+	ECOWNE ISY	M		23/08/2013	11/03/2021	G	46	2429	216	-168	12595
<input checked="" type="checkbox"/>	M1106	IT019991160432	3+	DE PRINCE-RED	M		28/08/2013	22/08/2021	G	51	2493	249	-336	9396
<input type="checkbox"/>	M1110	IT019991160436	3+		M		30/08/2013	11/10/2021	F	10	1734	-97	-765	8454
<input checked="" type="checkbox"/>	M1150	IT019991160529	3+	YANQ	M		10/11/2013	22/02/2021	G	31	2199	121	-315	13144
<input checked="" type="checkbox"/>	M0138	IT019991160537	3+	KLUSTER	M		12/11/2013	07/06/2021	G	63	2653	293	-144	12635
<input type="checkbox"/>	M1168	IT019991207786	3+	SECRETARIAT	M		01/07/2014	27/09/2021	F	67	2712	247	-182	14014
<input checked="" type="checkbox"/>	M0326	IT019991214591	3+	SHAMROCK	M		10/01/2014	08/05/2021	G	71	2760	406	57	12151
<input checked="" type="checkbox"/>	M0449	IT019991214611	3+	GALAXY	M		01/02/2014	14/06/2021	G	29	2178	130	-447	10034
<input checked="" type="checkbox"/>	M0290	IT019991214648	3+	SHAMROCK	M		05/05/2014	02/04/2021	G	70	2755	419	-119	10344
<input checked="" type="checkbox"/>	M0510	IT019991214660	3+	YANQ	M		20/05/2014	11/01/2021	G	54	2537	281	-200	15568
<input type="checkbox"/>	M1196	IT019991214722	3+	SUDAN	M		03/08/2014	21/12/2020	V	85	2994	368	-66	11248
<input type="checkbox"/>	M1177	IT019991214728	3+	D LIMBO	M		06/08/2014	21/12/2020	V	52	2505	206	-447	14948

Contatori di mandria			
	Iniziali	Inclusi	Esclusi
Giovani	348	189	118
Maturi	833	403	471

Fig. 4 inserita la possibilità di escludere o includere i vari centri F.A. e importatori; inseriti contatori per facilitare il conteggio dei tori inseriti; prima sezione (escludi i figli di); seconda sezione (gestisci tori) per l'inserimento dei tori bidone

The screenshot shows the 'Tori' configuration window with several sections:

- Numero tori consigliati:** 10, **Numero max tori con stesso padre:** 3
- Filtri per limitare i tori:** Five dropdown filters (Filtro 1-5).
- Escludi i figli di:** A table with columns 'Matericola', 'Nome', and 'MaxGen'. It contains one entry: IT02VTA0001962, MTOTO, 1.
- Escludere tori portatori di caratteri recessivi?:** A set of dropdowns for CVM, BLAD, Mulefoot, Brachysplina, and another Brachysplina.
- Escludere controllo accoppiamenti con aplotipi?:** A dropdown for Aplotipi.
- Limiti sui singoli tori:** A table with columns 'Matericola', 'Nome', 'Num accopp.', and 'Escluso'. It contains one entry: IT02VTA0001962, MTOTO, 1.
- Esclusione dei Centri FA:** A list of checkboxes for various genetic centers like ABC GENETIX, ABS ITALIA-CR, ALPA ZOO-GENETIX, ALTA ITALIA - MI, CENTRI-FA US, CHIACC/TAUROMAX, CHIACCHE/ABS IT, CHIACCHIERINI-PG, COFA/ABC GENETIX, COFA/GB GENETICS, and COSAPAM-MI.

Red arrows point to the 'Escludi i figli di' and 'Limiti sui singoli tori' sections. A blue arrow points to the 'Esclusione dei Centri FA' section. A black arrow points to the 'Escludere tori portatori di caratteri recessivi?' section.

Fig. 5 elenco dei reports dopo elaborazione del piano

The screenshot shows the 'Reports' window with the following content:

- Elenco reports per PAC elaborato:** A list of report links:
 - Tori consigliati
 - Accoppiamenti consigliati per collare
 - Accoppiamenti consigliati per marca
 - Accoppiamenti consigliati (2 vacche per riga)
 - Accoppiamenti consigliati (verticale)
 - Accoppiamenti con dettaglio
 - Riepilogo piano
 - Elenco manze e vacche per PFT
 - Elenco manze e vacche per IES
 - Elenco manze e vacche per ICS-PB
 - Consanguineita' attesa
- Buttons:** Salva, Elabora, Consolida, and a help icon (?)

Fig. 6 nuova sezione di simulazione di un indice personalizzato

